2025年12月2日 No.000263



PRESS RELEASE

接着分子インテグリンの種類ごとの接着特性 を規定する新規領域を同定

【本件のポイント】

- **WN linker はインテグリン活性化因子 talin1 との結合カイネ** ティクス*¹ を制御
- 新規抗炎症・抗がん剤の開発に期待

学校法人関西医科大学(大阪府枚方市 理事長・山下敏夫、学長・木梨達雄)附属生命医学研究所分子遺伝学部門近藤直幸講師らの研究チームは、独自に開発した *in vivo* 分子間相互作用の一分子計測実験系を駆使して、種々のインテグリンを幅広く活性化する活性化アダプター分子 talin1 がインテグリンの種類ごとに異なる結合カイネティクスを有することを発見しました。また、この差異に起因する、本論文で「WN linker」と名付けた、インテグリン細胞内の特定の領域も同定しました。詳しい研究概要は次ページ以降の別添資料をご参照ください。

なお、本研究をまとめた論文が米国生化学・分子生物学会発行の学術誌『Journal of Biological Chemistry』(インパクトファクター: 3.9) (Volume 301, Issue 11, 110793) に掲載されました。

■書誌情報	
掲載誌	「Journal of Biological Chemistry」
	https://doi.org/10.1016/j.jbc.2025.110793
論文タイトル	The nonconserved integrin cytoplasmic region determines
	integrin subtype-specific characteristics by modulating talin1
	binding kinetics
筆 者	Naoyuki Kondo*, Kenji Fukui, Yuji Kamioka, Yoshihiro
	Ueda, Yoshiki Ikeda, Taiju Matsushita, Ryo Yazaki, Tatsuo
	Kinashi
	*Corresponding author

【本件取材についてのお問合せ】

学校法人 関西医科大学 広報戦略室 (両角・林・佐脇)

〒573-1010 大阪府枚方市新町2-5-1

PRESS RELEASE



別 添 資 料

<本研究の背景>

インテグリンは初期発生や血管新生、がんの増殖・浸潤、免疫応答など生命現象の様々な過程で働く α 鎖と B 鎖から構成される接着分子です。インテグリンは現在までに 24 種類発見されており、これら の多様な機能の違いは各種インテグリンが有するリガンド *2 特異性の違いにより制御されています。一方でその活性化機構には共通性があり、talin1 という細胞内アダプター分子が細胞内でインテグリンと 直接相互作用することによりインテグリンの活性化が誘導されることが多くのインテグリンで証明されています。

近年我々は、白血球やリンパ球に幅広く発現するインテグリン LFA1(α L62)とリンパ球の腸管への移動を担うインテグリン α 487 の間で、せん断流下での接着特性に違いがあること(LFA1 は急速に接着し、 α 487 は緩やかに接着すること)を見出しましたが [Kamioka *et al.* (2023) *Cell Rep.* 42 (6) 112580]、その差異がリガンドの違いによるものなのか、それとは別の要因があるのかは不明でした。

<本研究の概要>

本研究では、独自に開発した talin1の *in vivo*一分子計測実験系[Kondo *et al.* (2021) *Science Signal.* 14 (686) eabf2184]を用いて、インテグリン種ごとの違いによる talin1 結合カイネティクスの違いを調べました(下図 A)。すると興味深いことに、 α L82への talin1 との結合は α 487に比べて強いことが分かりました(下図 B)。リガンドの種類の影響を排除するために、インテグリンの細胞外領域を全て α L82のものに統一し、細胞内領域のみを α 487に改変した変異体でも同様の結果が得られました。このことから、 α L82と α 487の接着性の違いは talin1の結合強度に起因することが明らかになりました。また、血管新生や白血病の促進などに関わる α V83インテグリンについても同様の解析を行ったところ、この場合も talin1の結合は α L82の方が α V83より強いことが分かりました(下図 B)。

次に、この差異を決定する責任領域を同定する目的で、talin1 が結合するインテグリン 8 鎖の細胞内領域のアミノ酸配列を比較したところ、既知の talin1 結合部位であるトリプトファン (W747 in 82)や NPxY/F モチーフ (N751-P752-L753-F754 in 82)などは 82 と 83, 87 などの他のインテグリンの間で差がなく保存されていることが分かりました(下図 C)。そこで、差異の原因に対するヒントを得るため、talin1 とインテグリン 8 鎖の細胞内領域の立体構造のモデリングを行ったところ、保存された W と NPxY/F モチーフの間にあるリンカー領域 (WN linker)が 82 では talin1 に近接している一方で、82 以外のインテグリンでは talin1 から離れる傾向にあることが分かりました。また、WN linker の配列は 82 質ごとに多様性に富み、82 のみが 3 アミノ酸残基から構成されていました(下図 C)。

【本件取材についてのお問合せ】

学校法人 関西医科大学 広報戦略室(両角・林・佐脇)

〒573-1010 大阪府枚方市新町2-5-1

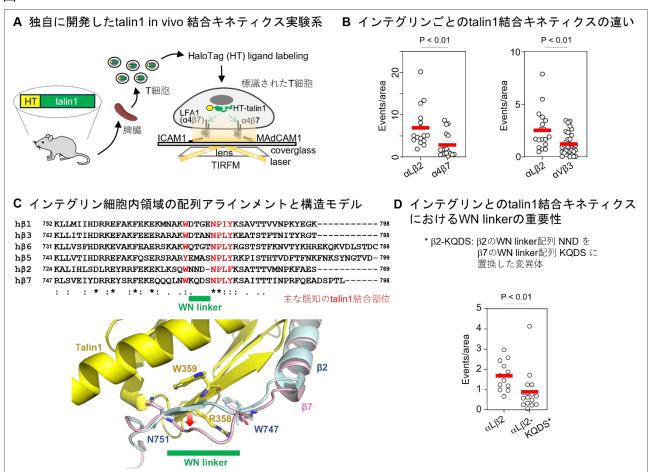
2025年12月2日 No.000263



PRESS RELEASE

WN linker のインテグリン制御への重要性を調べるために、 α L82 の WN linker 配列 (NND)を α 487 の配列 (KQDS) に置換し影響を調べたところ、 α L82-KQDS 変異体では talin1 の一分子レベルでの結合は低下し、インテグリン依存的な細胞接着も低下しました(下図 D)。また 87 の WN linker を 82 の NND に置換すると talin1 結合の上昇と接着の上昇がみられたことから、この領域は talin1 の結合を介してインテグリン機能を制御する新規の領域であることが明らかになりました。

図



<本研究の成果>

本研究により、インテグリンの機能を制御する未知の talin1 結合領域である WN linker の同定に成功しました (特許出願済み: 出願番号 2025-137388)。また、WN linker の配列は多様性に富み、その配列の違いで talin1 のインテグリンに対する結合カイネティクスとインテグリン依存的接着が変化し、インテグリンごとの機能的個性が決定されることが解明されました。

この発見により、インテグリンが関与する炎症性腸疾患などの自己免疫疾患や T 細胞リンパ腫などのがんに対する新規薬剤開発につながることが期待されます。また、WN linker 内配列の変更により

【本件取材についてのお問合せ】

学校法人 関西医科大学 広報戦略室(両角・林・佐脇)

〒573-1010 大阪府枚方市新町2-5-1

2025年12月2日 $N \ o \ . \ 0 \ 0 \ 0 \ 2 \ 6 \ 3$



PRESS RELEASE

talin1とインテグリンの結合強度を調整できるため、この発見は疾患の重症度に応じた薬剤設計による パーソナライズド・メディシンの発展に寄与することも期待されます。

用 解

- *1 結合カイネティクス:分子同士が結合を起こす際の、結合する速さと解離する速さの総称。本研究 においては細胞内におけるインテグリン β サブユニットと talin1 との解離速度定数を一分子計測 実験に基づいて算出している。
- *2 リガンド:タンパク質などの特定の分子に特異的に結合することができる物質のこと。例えば、 LFA1 のリガンドは ICAM1 等であり、α487 のリガンドは MAdCAM1 等である。

<本件研究に関するお問合せ先>

学校法人関西医科大学 附属生命医学研究所分子遺伝学部門 近藤 直幸 講師

大阪府枚方市新町 2-5-1 TEL: 072-804-0101

E-mail: kondo.nao@kmu.ac.jp

【本件取材についてのお問合せ】

学校法人 関西医科大学 広報戦略室(両角・林・佐脇)

〒573-1010 大阪府枚方市新町2-5-1